

Supplementary Materials:

Identification of *FECH* gene multiple variations in two Chinese patients with erythropoietic protoporphyria and a review

Zhang-biao LONG, Yong-wei WANG, Chen YANG, Gang LIU, Ya-li DU,
Guang-jun NIE, Yan-zhong CHANG, Bing HAN

Table S1 Primer pairs used for the amplification of the human *FECH* gene

Primer	Sequence (5'→3')	Annealing temperature (°C)
<i>FECH-E1F</i>	AAACAGGGCACGCAACTAG	52.5
<i>FECH-E1R</i>	GACCGATGGGACTTGAACC	
<i>FECH-E2F</i>	TGTAGTTTCTAAAATGCTTC	52.5
<i>FECH-E2R</i>	AGGGTGAAAAATCTATGGT	
<i>FECH-E3F</i>	ACAGATGTCCCCGAATAGGT	52.5
<i>FECH-E3R</i>	GCTCAAGGAGAATCCCCAC	
<i>FECH-E4F</i>	GGGTGTTGTGTGTCCTGAAT	52.5
<i>FECH-E4R</i>	TAACGCCTGGAGACCTAAA	
<i>FECH-E5F</i>	GAATATGCTAAACTTGCCTT	52.5
<i>FECH-E5R</i>	CTGACCTGAACTCTCGTGT	
<i>FECH-E6F</i>	TTTTAGTGATCTTCATTTGC	52.5
<i>FECH-E6R</i>	TGCTCTTCTGGTCATAGG	
<i>FECH-E7F</i>	TAAACCAATGCTGAGAGGC	61.0
<i>FECH-E7R</i>	GAGGCTGAGGCAAGAGAAC	
<i>FECH-E8F</i>	TTAGGGACCTTAGAGATGATT	57.0
<i>FECH-E8R</i>	GTTATGGAAGAGCCTGACC	
<i>FECH-E9F</i>	ATTCAAGCAGGTGTAAGAGT	61.0
<i>FECH-E9R</i>	AACAAAATGATGTCAGCCA	
<i>FECH-E10F</i>	CAGAATCAACATACAGCCC	61.0
<i>FECH-E10R</i>	TGAAAACCTCTTACCCTACC	
<i>FECH-E11F</i>	AAGGAAGATGCTGTAGAAT	52.5
<i>FECH-E11R</i>	AGAAAATACAAATGCTTACT	

Table S2 Primer pairs used for the quantification in the c.973 region of the human *FECH* gene via real-time PCR analysis

Primer	Sequence (5'→3')	Annealing temperature (°C)
<i>ACTB-qF</i>	GTTGCGTTACACCCTTTC	54.0
<i>ACTB-qR</i>	CTGTCACCTTACCCTTTC	
<i>FECH-qF</i>	TCTTTCGCATAGGTTGGT	54.0
<i>FECH-qR</i>	AATGCTATCGGAACCAAG	